

SEQ LIST.ST25.txt  
SEQUENCE LISTING

<110> SANKYO COMPANY, LIMITED  
<120> Method of Detecting Genetic Polymorphism  
<130> FP0427  
<140>  
<150> JP 2003-378039  
<151> 2003-11-07  
<150> JP 2004-121080  
<151> 2004-04-16  
<160> 10  
<170> PatentIn version 3.1  
<210> 1  
<211> 20  
<212> DNA  
<213> Homo sapiens  
<220>  
<223> Inventor: Koizumi, Makoto  
<400> 1  
cactgggagc attgaggctc 20  
  
<210> 2  
<211> 20  
<212> DNA  
<213> Homo sapiens  
<220>  
<221> allele  
<222> (20)..(20)  
<223> C is transitioned to T  
  
<400> 2  
cactgggagc attgaggctt 20  
  
<210> 3  
<211> 28  
<212> DNA  
<213> Mus musculus  
<220>  
<221> allele  
<222> (28)..(28)  
<223> C is transitioned to T  
  
<400> 3  
atctgtctac atatatatac acacacat 28  
  
<210> 4

SEQ LIST.ST25.txt

<211> 28  
 <212> DNA  
 <213> Mus musculus

<400> 4  
 atctgtctac atatataac acacacac 28

<210> 5  
 <211> 18  
 <212> DNA  
 <213> Homo sapiens

<400> 5  
 gggatgaaggc tgtgaccg 18

<210> 6  
 <211> 25  
 <212> DNA  
 <213> Mus musculus

<400> 6  
 gtcactagac tactgcttac tgtcc 25

<210> 7  
 <211> 25  
 <212> DNA  
 <213> Artificial

<220>  
 <223> primer E

<400> 7  
 catgtctact gctacttcac atgtg 25

<210> 8  
 <211> 25  
 <212> DNA  
 <213> Artificial

<220>  
 <223> primer F

<400> 8  
 catgtctact gctacttcac atgta 25

<210> 9  
 <211> 25  
 <212> DNA  
 <213> Artificial

<220>  
 <223> primer G

<400> 9  
 catgtctact gctacttcac atggg 25

<210> 10

SEQ LIST.ST25.txt

<211> 25  
<212> DNA  
<213> Artificial

<220>  
<223> primer H

<400> 10  
catgtctact gctacttcac atgga

25